基础研究

小干扰 RNA 沉默 HIF-1α基因表达对对人鼻咽癌细胞系 CNE1 周亡的影响

詹建东¹,邱前辉¹,张水兴²,陈少华¹,苏小妹¹ 广东省人民医院//广东省医学科学院¹耳鼻喉头颈外科,²放射科,广东 广州 510080

摘要:目的 探讨CNE1对人鼻咽癌细胞系CNE1凋亡的影响。方法 利用阳离子脂质体LipofectamineTM2000将HIF-1αsiRNA 转染入CNE13细胞中。WB 法测定CNE1细胞内HIF-1α的表达。流式细胞仪及Hochest 荧光染色测定细胞凋亡率的变化。WB 法测定CNE1细胞内BCL-2的表达。结果 干扰HIF-1α能有效地促进CNE1细胞的凋亡,同时可下调BCL-2的表达。结论体外实验初步证明HIF-1α基因在人鼻咽癌细胞系CNE1凋亡方面扮演重要角色,可通过下调BCL-2的表达来诱导凋亡。关键词:HIF-1α;凋亡;CNE1

实体肿瘤增大到约1~2 mm³时,内部会出现乏氧的 微环境,此时恶性肿瘤细胞将产生一系列生物学行为的 变化来适应低氧状态。缺氧诱导因子-lα(HIF-1α)通过 调节肿瘤细胞能量代谢、凋亡、血管生成、侵袭转移等使 肿瘤细胞适应缺氧微环境,促使肿瘤进展[1-2]。HIF-lα在 这些过程中起着中心介导作用,在多种肿瘤细胞中降低 HIF-lα的表达可能有抗肿瘤的作用[3-8]。已有研究表明,HIF-lα在鼻咽癌组织中高表达,并与鼻咽癌的病理特征 和肿瘤血管生成密切相关[9]。而HIF-lα与鼻咽癌增殖凋亡有无关系尚未有文献报道。本研究通过小干扰 RNA (siRNA)沉默人鼻咽癌细胞系 CNE1 的 HIF-lα基因,检测细胞凋亡的变化及凋亡相关蛋白表达情况,观察沉默 HIF-lα基因对人鼻咽癌细胞系 CNE1 细胞生物学行为的影响。

1 材料与方法

1.1 细胞培养

人类鼻咽癌细胞系CNE1(采购于美国标准生物品收藏中心),胎牛血清(采购于杭州四季清公司),DMEM培养基(采购于美国Gibco)。

1.2 主要试剂

CCK8试剂盒(采购于碧云天生物技术公),双染荧光标记凋亡检测试剂盒(采购于罗氏公司),碘化丙啶与膜联蛋白-V(Annexin V-PI)。

1.3 实验方法

1.3.1 RNA的干扰 HIF-1αsiRNA与阴性对照siRNA通过上海吉玛公司设计与合成,筛选出的有效HIF-1α-siRNA靶向HIF-1αmRNA的位点为792-812,正

义链为 5'-GUGAUGAAAGAAUUACCGAAUTT-3', NC-siRNA 片段正义链序列为5'-UUCUCCGAACGU-GUCACGUdTdT-3'。Opti-MEM 从美国 Gibco 购买, 脂质体转染试剂盒从广州英伟创津有限公司购买。转 染前的24 h人鼻咽癌细胞CNE1按1×10⁵/孔接种到培 养板内,37℃培养过1夜。具体转染操作步骤按转染的 操作手册进行,转染6h以后将更换低血清(0.5%) DMEM培养液进一步培养,转染后48h消化浓集细胞。 1.3.2 WesternBlot测试HIF-1α蛋白质的表达 收集空 白对照组、阴性对照组与转染 HIF-lα-siRNA 48 h的 CNE1细胞1×105,用PBS液清洗2遍,将溶解于裂解缓 冲液, Triton-X-100 0.5 mL, NaCL 0.438 g, pH8.0 的 HCL 2.5 mL,1 mol/LTris,加蒸馏水到50 mL。使用时, 将 0.87 mL 裂解液加入 1.74/LPMSF50 μL,提取总蛋白 质。BCA法测定各种样品种总蛋白质的浓度,并调节 至浓度一致。样品加10%SDS-PAGE(浓缩胶80V;分 离胶 120 V)大约 2.5 h,恒流 200 mA 2 h 转印在 PVDF 膜。封闭液(pH 7.6,0.05% Tween 20,5%脱脂奶粉)室 温封闭2 h后,于一抗(稀释比例1:500)孵育4℃过夜。 二抗体(稀释比例1:2000)孵育2h。用TBS洗涤3次, 通过超敏发光液显光,经X感光片感光并显影定影。内 参蛋白为GAPDH。

1.3.3 AnnexinV-PI 双染流式细胞仪检测凋亡细胞 收集转染后 48 h的细胞, PBS 清洗以后, 用预冷 75% 乙醇固定过夜, 离心去除上清, PBS 清洗以后加Rnase 溶液, 放置室温避光保存, 加入 0.06 L的 PI, 置室温避光 30 min, 用流式细胞仪测定细胞凋亡率。

1.3.4 Hochest 荧光染色 将对数生长期细胞接种在 6 孔板,药物作用 48 h用PBS洗涤 3次,5 min/次,加入多聚甲醛溶液室温固定 30 min,用PBS洗涤 3次,5 min/

次,加入 hochest33342溶液,在 37 ℃下孵育 15 min,使 用激光共聚焦显微镜观察并摄像,正常的细胞核会呈现 出弥散均匀的淡蓝色荧光,凋亡的细胞核则会呈现致密 浓染的强蓝色荧光。

1.4 统计学方法

结果用均数±标准差表述,采用独立样本t检验比较两组间的差别。由 SPSS 13.0 软件进行统计分析,显著性水平是P<0.05。

2 结果

2.1转染后HIF-1α基因蛋白表达情况

使用 HIF-1αsiRNA 转染 CNE1 细胞在 24 h 时 HIF-1α基因蛋白未受到显著影响,48、72 h 后表达量明显降低。HIF-1αsiRNA组表现明显时间依赖性,随着观察时间的延长,后一个观察时间点都较前一个观察时间点细胞中HIF-1α表达量出现明显下降。

2.2 流式细胞术检测 CNE1细胞的凋亡

研究干扰 HIF-1 α 对细胞凋亡的影响,使用流式细胞术检测细胞凋亡率。经独立样本t检验分析的结果表明,通过血清饥饿48 h,干扰组的凋亡率为38.8%;血清血清饥饿72 h,凋亡率为60.1%。相应对照组分别为5.6%、10.2%(P<0.05)。这些数据提示干扰 HIF-1 α 将使CNE1细胞对血清饥饿诱导凋亡变得更加敏感。

2.3 活细胞染色结果

使用Hochest 33258荧光染料对活细胞染色,通过波长 365 nm的荧光显微镜进行观察,发现对照组细胞核边界清晰,呈均匀淡蓝色的圆形或椭圆形。经血清饥饿48 h后都能观察到细胞具有典型凋亡特征,细胞核边界清晰,呈亮蓝色的半月形、马蹄形,凋亡细胞染色质的边集、核浓缩或聚集;有的细胞核甚至有3个或以上的荧光碎块。各组分别随机计数200个细胞,转染组凋亡细胞为56.2%,对照组凋亡细胞为12.5%。

2.4 转染后HIF-1α基因蛋白对凋亡相关基因的影响

为进一步研究HIF-1α对CNE1细胞凋亡分子的机制,我们在不同时间段检测HIF-1α的凋亡相关蛋白Bcl2的变化情况。结果显示干扰HIF-1α后Bcl2表达下降,且呈时间依赖性。

3 讨论

本实验用经证实有效的人工化学合成的 HIF-lα-siRNA转染CEN1细胞可以沉默HIF-lα基因的 表达,转染CNE1细胞在48 h,72 h后HIF-lα表达量明显 降低。从而为研究HIF-lα与鼻咽癌的关系提供了合适 的模型。

HIF-1α是1992年由 Semenza等最先在缺氧诱导的细胞核抽提物中发现的转录因子,广泛存在于哺乳动物

和人体内[10]。近年来研究在大多数人类正常组织细胞 中未检测到HIF-1α蛋白的表达,但在许多肿瘤细胞中 却存在,且与预后密切相关[11-14]。HIF-1α表达与肺癌T 分期、有无颈淋巴结转移和临床分期相关表达可能在肿 瘤发生发展中发挥重要作用[15]。HIF-1α在正常食管黏 膜细胞不会表达,而食管鳞癌细胞的阳性表达率为 61.7%,且其阳性表达率随食管癌肿瘤体积呈正相关,随 组织分化程度降低而增高[16]。HIF-1α在鼻咽癌组织中 的表达显著高于鼻咽慢性炎性组织,与T分期、临床分 期和有无颈淋巴结转移相关[17]。HIF-lα在细胞凋亡中 的调控作用存在着两个不同方面的影响:一方面是抗凋 亡作用,HIF-lα可增加无氧代谢、糖酵解和一些凋亡前 基因的表达,同时还能与人端粒末端逆转录酶(hTERT) 基因相互作用,诱导活化hTERT,增加端粒酶的活性,延 长端粒;另一方面是促凋亡作用,HIF-la能阻断P53降 解与稳定P53、上调Bcl-2家族促凋亡基因BNIP3等途 径。本研究通过沉默鼻咽癌中HIF-la的表达来检查细 胞凋亡的情况。在本研究中,我们观察到:干扰组 CNE1细胞在转染HIF-lα-siRNA后48、72 h, 凋亡率高 干对照组,提示沉默HIF-lα基因能诱导CNE1细胞凋 亡,发挥抗肿瘤效应。

为了进一步研究沉默 HIF-lα基因诱导 CNE1 细胞 凋亡的机制。在本研究中,我们观察到干扰组 Bcl-2 的 表达下降,且呈时间依赖性,干扰 48 h后开始显著下降。有证据表明 BCL-2 必须与其它蛋白如 Bax 形成异二聚体才能发挥其生理作用。BCL-2 还可以和抑癌基因 p53 相互作用,间接调控程序性细胞死亡[18]。因此,我们的研究发现,HIF-lα在人鼻咽癌细胞生长过程中起着重要作用。干扰 HIF-lα的表达,可通过下调 BCL-2 的表达从而诱导细胞凋亡。

参考文献:

- [1] 吴丽君, 赵光明, 张雪鹏. 缺氧微环境与肿瘤的关系[J]. 中国综合临床, 2014(7): 782-4.
- [2] 杨庆强, 唐春燕. 缺氧与肿瘤恶性演进的关系及其机制探讨[J]. 重庆医学, 2015(16): 2174-6.
- [3] 潘克俭, 罗凤鸣, 刘小菁, 等. HIF- 1α 基因表达下调对人结肠癌 SW480 细胞增殖和 VEGF表达的影响[J]. 第四军医大学学报, 2007, 28(17): 1583-6.
- [4] 黄康华. HIF-1α基因干扰抑制大鼠肝癌 CBRH7919 细胞 HIF-1α及 VEGF表达的实验研究[D]. 广州: 中山大学, 2010.
- [5] 曾 伟. siRNA沉默HIF-1α在缺氧状态下对鼻咽癌细胞VEGF表达的 影响[D]. 广州: 广州医学院, 2009.
- [6] 吴欣爱, 孙 燕, 樊青霞, 等. siRNA 沉默 HIF-1α在缺氧状态下对食管 鳞癌细胞 VEGF表达的影响[J]. 肿瘤防治研究, 2007, 34(10): 743-6.
- [7] 何志强, 范 平, 王 博, 等. siRNA沉默HIF-1α在缺氧状态下对胰腺癌 细胞TLR4表达的影响[J]. 中华普通外科杂志, 2012, 27(6): 475-8.
- [8] 付振宇, 张 鸽, 黄玉华, 等. siRNA沉默HIF-lα基因对前列腺癌PC3 细胞生长增殖及凋亡的影响[J]. 中国男科学杂志, 2014(12): 7-10.

- [9] 尹中普, 孙 晓. HIF-1α和GLUT-1在鼻咽癌组织中的表达及其临床 意义[J]. 中国肿瘤生物治疗杂志, 2015, 22(4): 495-9.
- [10] Tang CM, Yu J. Hypoxia-inducible factor-1 as a therapeutic target in cancer[J]. J Gastroenterol Hepatol, 2013, 28(3): 401-5.
- [11] Gravdal K, Halvorsen OJ, Haukaas SA, et al. Proliferation of immature tumor vessels is a novel marker of clinical progression in prostate cancer[J]. Cancer Res, 2009, 69(11): 4708-15.
- [12] Cha ST, Chen PS, Johansson G, et al. MicroRNA-519c suppresses hypoxia-inducible factor-1alpha expression and tumor angiogenesis [J]. Cancer Res, 2010, 70(7): 2675-85.
- [13] Ioannou M, Papamichali R, Kouvaras E, et al. Hypoxia inducible factor-lalpha and vascular endothelial growth factor in biopsies of small cell lung carcinoma[J]. Lung, 2009, 187(5): 321-9.
- [14] Baba Y, Nosho K, Shima K, et al. HIF1A overexpression is

- associated with poor prognosis in a cohort of 731 colorectal cancers [J]. Am J Pathol, 2010, 176(5): 2292-301.
- [15] Peng Z ,Shan C,Wang H, Expression of VHL and HIF-1alpha and its clinical significance in the lung cancer[J]. J Central S Univ(Med Sci), 2009, 34(4): 331-4.
- [16] Hwang J, Rouhanizadeh M, Hamilton RT, et al. 17 beta-Estradiol reverses shear-stress-mediated low density lipoprotein modifications [J]. Free Radic Biol Med, 2006, 41(4): 568-78.
- [17] 吴 冬, 周亚燕, 李先明, 等. 鼻咽癌组织中APE和HIF-1 α表达的临床 意义[J]. 中国肿瘤临床, 2009, 36(13): 755-8.
- [18] Lindsay J, Esposti MD, Gilmore AP. Bcl-2 proteins and mitochondria--specificity in membrane targeting for death [J]. Biochim Biophys Acta, 2011, 1813(4): 532-9.

(上接264页)

- [3] Nakao K. Adiposcience and adipotoxicity [J]. Nat Clin Pract Endocrinol Metab, 2009, 5(2): 63.
- [4] Tran TT, Yamamoto Y, Gesta S, et al. Beneficial effects of subcutaneous fat transplantation on metabolism [J]. Cell Metab, 2008, 7(5): 410-20.
- [5] Gavrilova O, Marcus-Samuels B, Graham D, et al. Surgical implantation of adipose tissue reverses diabetes in lipoatrophic mice [J]. J Clin Invest, 2000, 105(3): 271-8.
- [6] Viljanen AP, Lautamäki R, Järvisalo M, et al. Effects of weight loss on visceral and abdominal subcutaneous adipose tissue blood-flow and insulin-mediated glucose uptake in healthy obese subjects [J]. Ann Med, 2009, 41(2): 152-60.
- [7] Cahová M, Vavrínková H, Kazdová L. Glucose-fatty acid interaction

- in skeletal muscle and adipose tissue in insulin resistance [J]. Physiol Res, 2007, 56(1): 1-15.
- [8] Kieffer TJ, Habener JF. The adipoinsular axis: effects of leptin on pancreatic beta-cells[J]. Am J Physiol Endocrinol Metab, 2000, 278 (1): E1-E14.
- [9] Kershaw EE, Nier JS. Adipose tissue as all endocrine organ[J]. J Clin Endocrinol Metab, 2004, 89(5): 2548-56.
- [10] Resistance DI. Type 2 diabetes and atherosclerosis: the missing links [J]. Diabetologia, 2010, 53(7): 1270-87.
- [11] 陆秋涯, 迟贞旎, 陆怡德. 空腹血清游离脂肪酸与2型糖尿病的关系 [J]. 检验医学, 2012, 27(9): 725-7.
- [12]王 磊,朱 斌,秦灵灵,等.瘦素、脂联素、游离脂肪酸与2型糖尿病肝郁脾虚证的关系[J].中日友好医院学报,2015,29(1):31-3,58.